

## 附件 7 高粱基因组扩展区域中的重复序列

## Additional file 7 Repetitive sequences in the expanded region of the sorghum genome

重复元素 Repeat elements	2 个甘蔗 BACs 序列 2 Sugarcane BAC sequences		高粱同源基因 sorghum homologous region	
	长度 (bp) Length (bp)	序列百分比(%) Percentage of the sequence (%)	长度 (bp) Length (bp)	序列百分比 (%) Percentage of the sequence (%)
	反转录因子 Retroelements	23 897	32.02	10 894
SINEs:	0	0	0	0
LINEs:	3 721	4.65	0	0
RTE/Bov-B	3 365	4.1	0	0
L1/CIN4	356	0.55	0	0
LTR elements:	20 176	27.37	10 894	13.97
Ty1/Copia	10 014	14.11	8 140	10.44
Gypsy/DIRS1	9 879	12.81	2 754	3.53
DNA 转座子 DNA transposons	6 412	8.54	4 528	9.04
hobo-Activator	367	0.49	970	2.5
Tc1-IS630-Pogo	770	1.1	872	1.45
En-Spm	2 684	3.31	254	0.33
MuDR-IS905	786	0.96	0	0
Tourist/Harbinger	1 644	2.42	2 140	3.86
不保守的: Unclassified:	0	0	0	0

---

简单重复:				
Simple repeats:	170	0.24	1 412	3.35
地复杂度:				
Low complexity:	725	1.01	1 206	2.63
总数				
Total	31 204	41.81	18 040	28.99

---