

表 1 分析位点的遗传变异和杂合性

Table 1 Summary of genetic variation and heterozygosity statistics for researched loci

位点	检测到的等位基因数	有效等位基因数	香农指数	期望纯合度	期望杂合度
Loci	<i>Na</i>	<i>Ne</i>	<i>I</i>	<i>Exp_Hom</i>	<i>Exp_Het</i>
RM220	4	1.9792	0.9076	0.5032	0.4968
RM208	3	2.9108	1.0831	0.3408	0.6592
RM16	5	1.2317	0.4522	0.8111	0.1889
RM335	4	3.4197	1.3070	0.2894	0.7106
RM289	2	1.5838	0.5553	0.6298	0.3702
RM253	4	2.9657	1.1231	0.3344	0.6656
RM234	4	2.1190	0.8314	0.4697	0.5303
RM210	4	3.4115	1.2978	0.2901	0.7099
RM219	4	3.8850	1.3719	0.2543	0.7457
RM228	3	1.8606	0.6890	0.5355	0.4645
RM206	5	3.5643	0.3798	0.2775	0.7225
RM235	5	2.4927	1.0778	0.3986	0.6014
Mean	3.9167	2.6187	1.0063	0.4279	0.5721
St. Dev	0.9003	0.8643	0.3197	0.1691	0.1691