

表 2 不同地理来源辣椒疫霉种群的遗传参数

Table 2 The genetic parameters of *Phytophthora capsici* populations from different geographical regions

地区	菌株数	等位基因数	有效等位基因数	基因多样性指数	Shannon's 信息指数
Origin	NO.	na*	ne*	h*	I*
遵义	12	1.5532	1.3567	0.2031	0.2995
Zunyi					
贵阳	13	1.8693	1.4761	0.28	0.4244
Guiyang					
安顺	17	1.2462	1.137	0.0802	0.1206
Ansun					
黔南	20	1.4802	1.2064	0.1191	0.1822
Qiannan					
毕节	4	1.3374	1.2279	0.1307	0.1926
Bijie					
六盘水	6	1.2766	1.1163	0.0717	0.1142
Liu P.S.					

注: na\*: 等位基因数; ne\*: 有效等位基因数(Kimura and Crow, 1964); h\*: 基因多样性指数(Nei, 1973); I\*: Shannon's 信息指数 (Lewontin, 1972)

Note: na\*: Observed number of alleles; ne\*: Effective number of alleles (Kimura and Crow, 1964); h\*: Nei's (1973) gene diversity; I\*: Shannon's information index (Lewontin, 1972)