

表1测序数据质量统计表

Table 1 Quality statistics of sequencing data

测序信息 Sequencing information	301	294	短叶柄群体混池 Short Petiole group pool	长叶柄群体混池 Long Petiole group pool
有效reads clean reads	47 233 389	47 822 505	56 254 445	55 148 667
Q30质量 (%) Q30 (%)	92.15	92.19	92.29	92.46
样品GC含量(%) GC num (%)	37.60	37.73	37.12	37.39
比对率(%) Mapped (%)	94.01	93.44	92.41	92.32
比对到参考基因组且方向正确的reads数 目比例(%) Properly mapped (%)	79.79	78.20	77.39	78.43