

表4 候选区域内基因功能注释结果统计

Table 4 Statistics of annotation information in candidate regions

注释数据库 Annotated_databases	基因数 Gene Num	非同义突变 Non_Syn Gene Num	移码突变 FRAME_SHIFT Gene Num
NR	604	354	108
NT	580	339	100
trEMBL	609	356	108
SwissProt	440	258	75
GO	421	238	58
KEGG	193	105	22
COG	185	102	26
Total	614	357	108

注: 第一列单词均为不同功能注释数据库名称

Note: The first column of words are the names of different function annotation database