

表 1 中国树鼩基因组的总体统计(摘自: Fan et al., 2013)

Table 1 Global statistics of the Chinese tree shrew genome (Adopted from Fan et al., 2013)

	插入片段(bp) Insert size (bp)	数据总量(Gb) Total data (Gb)	序列覆盖率(X) Sequence coverage (X)
(a) 测序 Sequencing	170–800 bp	187.09	58.47
配对末端库 Paired-end library	2–40×10 <sup>3</sup>	66.36	20.74
	总计 Total	253.45	79.20
	N50 (Kb)	最长片段(Kb) Longest (Kb)	大小(Gb) Size (Gb)
(b) 组装 Assembly			
重叠群 Contig	22	188	2.72
支架 Scaffold	3 656	19 270	2.86
	数量 Number	总长(Mb) Total length (Mb)	基因组的比例(% Percentage of genome (%)
(c) 注释 Annotation			
重复数 Repeats	4 843 686	1001.9	35.01
基因 Genes	22 063	743.4	25.98
编码 DNA 序列 CDS	166 392	31.0	1.08