

表 1 19 对 SSR 标记及其扩增结果

Table 1 Amplification results of 19 SSR primers in 118 rice germplasm resource

引物 Locus	染色体 Chr.	观测到的等位基因数 na*	有效等位基因数 ne*	遗传多样性指数 I*
RM259	1	8	6.02	1.91
RM23	1	7	5.76	1.83
RM211	2	4	1.76	0.79
RM251	3	8	5.19	1.82
RM335	4	9	2.83	1.44
RM250	2	3	1.38	0.51
RM405	5	3	2.14	0.84
RM169	5	6	4.76	1.64
RM336	7	8	4.24	1.63
RM252	4	3	2.46	0.99
RM190	6	2	2.00	0.69
RM209	11	5	2.72	1.13
RM247	12	5	1.67	0.85
RM17	12	3	2.057	0.76
RM216	10	2	1.267	0.36
RM242	9	6	3.26	1.35
RM152	8	6	2.82	1.23
RM222	10	5	2.92	1.22
RM219	9	6	3.08	1.40
Mean		5.21	3.07	1.18
St.Dev		2.16	1.46	0.46

注: \* na: 观测到的等位基因数; \* ne: 有效等位基因数(Kimura and Crow, 1964); I: 遗传多样性指数(Lewontin, 1972)

Note: \* na: Detected number of alleles; \* ne: Effective allele number (Kimura and Crow, 1964); \* I: Shannon's Information index (Lewontin, 1972)