

表 1 姜黄 EST-SSR 的分布特征

Table 1 Distribution characteristics of EST-SSRs in *Curcuma longa* L.

重复类型 Repeat type	SSR 数目 Number of SSRs	占总 SSR 比例(%) Proportion in all SSRs (%)	出现频率(%) Frequency (%)	平均距离(kb ⁻¹) Mean distance (kb ⁻¹)	优势重复基元及其数量、百分比 Advantage of repeated primitives and its number and percentage
二核苷酸 Dinucleotide	66	11.68	0.53	127.90	TA/AT (28/66, 42.42%)
三核苷酸 Trinucleotide	239	42.30	1.91	35.32	TCT/AGA, GAG/CTC, GAA/CTT (22/239, 9.21%)
四核苷酸 Tetranucleotide	38	6.73	0.30	222.15	AATA, TAGA (4/38, 10.53%)
五核苷酸 Pentanucleotide	28	4.96	0.22	301.49	TCCTT/AGGAA, AGAAG/TCTTC (3/28, 10.71%)
六核苷酸 Hexanucleotide	194	34.34	1.55	43.51	GGCGAC, CATTCC, GCGGCA/CGCCGT, GAGGCG/CTCCGC (5/194, 2.58%)
总计 Total	565	100.00	4.52	14.94	12 种基元(128/565, 22.65%) 12 motifs (128/565, 22.65%)

注: 出现频率=检出的SSR数目/无冗余EST总数; 平均距离=无冗余EST全长/检出的SSR数目

Note: Frequency= Total SSR number sought out / total number of non-redundant ESTs; Mean distance=The length of non-redundant ESTs / total SSR number sought out