

表 1 各物种全基因组的相关信息

Table 1 List of genomes used in this study

物种 Organism	登录号 Accession	分类 ID TaxaID	进化谱系 NCBI Lineage
<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i> JH1	NC_009632	359787	F.1.1.1.1.1
<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i> JH9	NC_009487	359786	F.1.1.1.1.1
<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i> Mu3	NC_009782	418127	F.1.1.1.1.1
<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i> Mu50	NC_002758	158878	F.1.1.1.1.1
<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i> USA300_FPR3757	NC_007793	451515	F.1.1.1.1.1
<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i> USA300_TCH1516	NC_010079	451516	F.1.1.1.1.1
<i>Staphylococcus epidermidis</i> ATCC 12228	NC_004461	176280	F.1.1.1.1.2
<i>Staphylococcus epidermidis</i> RP62A	NC_002976	176279	F.1.1.1.1.2
<i>Lactobacillus brevis</i> ATCC 367	NC_008497	387344	F.1.2.1.1.1
<i>Lactobacillus helveticus</i> DPC 4571	NC_010080	405566	F.1.2.1.1.2
<i>Lactobacillus johnsonii</i> NCC 533	NC_005362	257314	F.1.2.1.1.3
<i>Lactobacillus plantarum</i> WCFS1	NC_004567	220668	F.1.2.1.1.4
<i>Lactobacillus salivarius</i> UCC118	NC_007929	362948	F.1.2.1.1.5
<i>Pediococcus pentosaceus</i> ATCC 25745	NC_008525	278197	F.1.2.1.2.1
<i>Leuconostoc mesenteroides</i> subsp. <i>mesenteroides</i> ATCC 8293	NC_008531	203120	F.1.2.2.1.1
<i>Oenococcus oeni</i> PSU-1	NC_008528	203123	F.1.2.2.2.1
<i>Lactococcus lactis</i> subsp. <i>cremoris</i> MG1363	NC_009004	416870	F.1.2.3.1.1
<i>Lactococcus lactis</i> subsp. <i>cremoris</i> SK11	NC_008527	272622	F.1.2.3.1.1
<i>Lactococcus lactis</i> subsp. <i>lactis</i> II1403	NC_002662	272623	F.1.2.3.1.1
<i>Streptococcus agalactiae</i> 2603V/R	NC_004116	208435	F.1.2.3.2.1
<i>Streptococcus agalactiae</i> A909	NC_007432	205921	F.1.2.3.2.1
<i>Streptococcus agalactiae</i> NEM316	NC_004368	211110	F.1.2.3.2.1
<i>Streptococcus gordonii</i> str. <i>Challis</i> substr. CHI	NC_009785	467705	F.1.2.3.2.2
<i>Streptococcus pneumoniae</i> D39	NC_008533	373153	F.1.2.3.2.3
<i>Streptococcus pneumoniae</i> R6	NC_003098	171101	F.1.2.3.2.3
<i>Streptococcus pneumoniae</i> TIGR4	NC_003028	170187	F.1.2.3.2.3
<i>Streptococcus pyogenes</i> M1 GAS	NC_002737	160490	F.1.2.3.2.4
<i>Streptococcus pyogenes</i> MGAS2096	NC_008023	370553	F.1.2.3.2.4
<i>Streptococcus pyogenes</i> MGAS315	NC_004070	198466	F.1.2.3.2.4
<i>Streptococcus pyogenes</i> MGAS5005	NC_007297	293653	F.1.2.3.2.4
<i>Streptococcus pyogenes</i> MGAS9429	NC_008021	370551	F.1.2.3.2.4
<i>Streptococcus pyogenes</i> SSI-1	NC_004606	193567	F.1.2.3.2.4
<i>Streptococcus suis</i> 05ZYH33	NC_009442	391295	F.1.2.3.2.5
<i>Streptococcus suis</i> 98HAH33	NC_009443	391296	F.1.2.3.2.5
<i>Streptococcus thermophilus</i> CNRZ1066	NC_006449	299768	F.1.2.3.2.6
<i>Streptococcus thermophilus</i> LMD-9	NC_008532	322159	F.1.2.3.2.6
<i>Streptococcus thermophilus</i> LMG 18311	NC_006448	264199	F.1.2.3.2.6
<i>Alkaliphilus metalliredigens</i> QYMF	NC_009633	293826	F.2.1.1.1.1
<i>Alkaliphilus oremlandii</i> OhILAs	NC_009922	350688	F.2.1.1.1.2
<i>Clostridium acetobutylicum</i> ATCC 824	NC_003030	272562	F.2.1.1.2.1
<i>Clostridium beijerinckii</i> NCIMB 8052	NC_009617	290402	F.2.1.1.2.2
<i>Clostridium botulinum</i> A str. ATCC 19397	NC_009697	441770	F.2.1.1.2.3
<i>Clostridium botulinum</i> A str. ATCC 3502	NC_009495	413999	F.2.1.1.2.3
<i>Clostridium botulinum</i> A str. Hall	NC_009698	441771	F.2.1.1.2.3
<i>Clostridium botulinum</i> F str. Langeland	NC_009699	441772	F.2.1.1.2.3
<i>Clostridium difficile</i> 630	NC_009089	272563	F.2.1.1.2.4
<i>Clostridium kluyveri</i> DSM 555	NC_009706	431943	F.2.1.1.2.5
<i>Clostridium novyi</i> NT	NC_008593	386415	F.2.1.1.2.6
<i>Clostridium perfringens</i> ATCC 13124	NC_008261	195103	F.2.1.1.2.7
<i>Clostridium perfringens</i> SM101	NC_008262	289380	F.2.1.1.2.7
<i>Clostridium perfringens</i> str. 13	NC_003366	195102	F.2.1.1.2.7
<i>Clostridium tetani</i> E88	NC_004557	212717	F.2.1.1.2.8

物种 Organism	登录号 Accession	分类 ID TaxaID	进化谱系 NCBI Lineage
<i>Bartonella bacilliformis</i> KC583	NC_008783	360095	P.1.1.1.1.1
<i>Bartonella henselae</i> str. Houston-1	NC_005956	283166	P.1.1.1.1.2
<i>Bartonella quintana</i> str. Toulouse	NC_005955	283165	P.1.1.1.1.3
<i>Bartonella tribocorum</i> CIP 105476	NC_010161	382640	P.1.1.1.1.4
<i>Bradyrhizobium</i> sp. ORS278	NC_009445	114615	P.1.1.2.1.1
<i>Mesorhizobium</i> sp. BNC1	NC_008254	266779	P.1.1.3.1.1
<i>Mesorhizobium loti</i> MAFF303099	NC_002678	266835	P.1.1.3.2.1
<i>Agrobacterium tumefaciens</i> str. C58	NC_003304	176299	P.1.1.4.1.1
<i>Dinoroseobacter shibae</i> DFL 12	NC_009952	398580	P.1.2.1.1.1
<i>Ruegeria pomeroyi</i> DSS-3	NC_003911	246200	P.1.2.1.2.1
<i>Anaplasma phagocytophilum</i> HZ	NC_007797	212042	P.1.3.1.1.1
<i>Anaplasma marginale</i> str. St. Maries	NC_004842	234826	P.1.3.1.1.2
<i>Ehrlichia canis</i> str. Jake	NC_007354	269484	P.1.3.1.2.1
<i>Ehrlichia chaffeensis</i> str. Arkansas	NC_007799	205920	P.1.3.1.2.2
<i>Ehrlichia ruminantium</i> str. Welgevonden	NC_005295	254945	P.1.3.1.2.3
<i>Acidovorax avenae</i> subsp. <i>citrulli</i> AAC00-1	NC_008752	397945	P.2.1.1.1.1
<i>Acidovorax</i> sp. JS42	NC_008782	232721	P.2.1.1.1.2
<i>Rhodoferax ferrereducens</i> T118	NC_007908	338969	P.2.1.1.2.1
<i>Polaromonas naphthalenivorans</i> CJ2	NC_008781	365044	P.2.1.1.3.1
<i>Polaromonas</i> sp. JS666	NC_007948	296591	P.2.1.1.3.2
<i>Verminephrobacter eiseniae</i> EF01-2	NC_008786	391735	P.2.1.1.4.1
<i>Aeromonas hydrophila</i> subsp. <i>hydrophila</i> ATCC 7966	NC_008570	380703	P.3.1.1.1.1
<i>Aeromonas salmonicida</i> subsp. <i>salmonicida</i> A449	NC_009348	382245	P.3.1.1.1.2
<i>Actinobacillus pleuropneumoniae</i> L20	NC_009053	416269	P.3.2.1.1.1
<i>Haemophilus ducreyi</i> 35000HP	NC_002940	233412	P.3.2.1.2.1
<i>Pasteurella multocida</i> subsp. <i>multocida</i> str. Pm70	NC_002663	272843	P.3.2.1.3.1
<i>Desulfovibrio vulgaris</i> str. Hildenborough	NC_002937	882	P.4.1.1.1.1
<i>Desulfovibrio vulgaris</i> subsp. <i>vulgaris</i> DP4	NC_008751	391774	P.4.1.1.1.1
<i>Geobacter metallireducens</i> GS-15	NC_007517	269799	P.4.2.1.1.1
<i>Geobacter sulfurreducens</i> PCA	NC_002939	243231	P.4.2.1.1.2
<i>Anaeromyxobacter dehalogenans</i> 2CP-C	NC_007760	290397	P.4.3.1.1.1
<i>Anaeromyxobacter</i> sp. Fw109-5	NC_009675	404589	P.4.3.1.1.2
<i>Campylobacter jejuni</i> subsp. <i>jejuni</i> 81116	NC_009839	407148	P.5.1.1.1.1
<i>Campylobacter jejuni</i> RM1221	NC_003912	195099	P.5.1.1.1.1
<i>Acholeplasma laidlawii</i> PG-8A	NC_010163	441768	T.1.1.1.1.1
<i>Aster yellows witches'-broom phytoplasma</i> AYWB	NC_007716	322098	T.1.1.1.2.1
<i>Mesoplasma florum</i> L1	NC_006055	265311	T.1.2.1.1.1
<i>Mycoplasma capricolum</i> subsp. <i>capricolum</i> ATCC 27343	NC_007633	340047	T.1.3.1.1.1
<i>Mycoplasma agalactiae</i> PG2	NC_009497	347257	T.1.3.1.1.2
<i>Mycoplasma gallisepticum</i> str. R(low)	NC_004829	710127	T.1.3.1.1.3
<i>Mycoplasma genitalium</i> G37	NC_000908	243273	T.1.3.1.1.4
<i>Mycoplasma hyopneumoniae</i> 7448	NC_007332	262722	T.1.3.1.1.5
<i>Mycoplasma mobile</i> 163K	NC_006908	267748	T.1.3.1.1.6
<i>Mycoplasma penetrans</i> HF-2	NC_004432	272633	T.1.3.1.1.7
<i>Mycoplasma pneumoniae</i> M129	NC_000912	272634	T.1.3.1.1.8
<i>Mycoplasma pulmonis</i> UAB CTIP	NC_002771	272635	T.1.3.1.1.9
<i>Mycoplasma synoviae</i> 53	NC_007294	262723	T.1.3.1.1.10
<i>Ureaplasma parvum</i> serovar 3 str. ATCC 700970	NC_002162	273119	T.1.3.1.2.1