表 4 物种基因组三核苷酸转移概率矩阵间的欧几里德距离

Table 4 The Euclidian distance of trinucleotide transition probability matrices of bacterial genomes

	S. aur_JH1	S. epi_AT	S. pyo_M1	S. pyo_M9	S. aga_26	L. lac_MG	P. pen_AT	A. ore_Oh
S. aur_JH1	0							
S. epi_AT	0.122	0						
S. pyo_M1	0.386	0.382	0					
S. pyo_M9	0.387	0.383	0.020	0				
S. aga_26	0.288	0.268	0.173	0.174	0			
L. lac_MG	0.389	0.379	0.291	0.292	0.267	0		
P. pen_AT	0.328	0.334	0.305	0.305	0.270	0.321	0	
A. ore_Oh	0.405	0.384	0.399	0.399	0.344	0.431	0.394	0